

Zdravotnická laboratoř akreditovaná ČIA pod číslem 8279 Podle ČSN EN ISO 15189:2013

Jméno pacienta: Novák Jan (PC29T1)

číslo pojišťovny: 555

Datum odběru vzorku: 30.1.2025

Datum vydání výsledkové zprávy: 5.3.2025

Typ testu:	oncoMonitor
Identifikační číslo případu:	FNMBKA250130-PC29T1
Zadavatel:	MUDr. Karel Řezák Chirurgická klinika Fakultní nemocnice Kotol V Úvalu 84, 150 06, Praha 5
IČZ:	
Datum a čas přijetí vzorku:	10.2.2025 / 14:00
Datum vyhotovení výsledkové zprávy	5.3.2025
Datum a čas vydání výsledkové zprávy:	5.3.2025 / 11:35
Jméno klienta:	Novák Jan
Číslo pojištěnce:	5121525275
číslo biopsie:	neuvedeno
Číslo ZP:	111
Diagnóza:	C504
Pohlaví:	muž
Typ vzorku:	nativní tkáň
Datum a čas odběru vzorku:	30.1.2025
Počet vyhodnocených vzorků:	1
Označení vzorku:	PC29T1
Informace o mutačním profilu:	neuvedeno
Výšetřované mutace:	KRAS exon 2 ¹ , TP53 exon 4, 6, 7, 8, 9, 10, 11, PIK3CA exon 9

¹ Akreditované vyšetření dle SOP 01

Zdravotnická laboratoř akreditovaná ČIA pod číslem 8279 Podle ČSN EN ISO 15189:2013

Jméno pacienta: Novák Jan (PC29T1)

číslo pojišťovny: 555

Datum odběru vzorku: 30.1.2025

Datum vydání výsledkové zprávy: 5.3.2025

Vysvětlivky: negativní = **O**; pozitivní - mutace = **X**; inkonkluzivní = **ink**;

Gen	Lokus	Mutace	Výsledek
EGFR	exon 19 ¹		nevyšetřeno
	exon 20 ¹		nevyšetřeno
	exon 21 ¹		nevyšetřeno
KRAS	exon 2 ¹	kodony 12/13	O
	exon 3 ¹	kodony 59/61	nevyšetřeno
	exon 4 ¹	kodony 117/146	nevyšetřeno
APC3	exon 15		nevyšetřeno
TP53	exon 4		O
	exon 5		nevyšetřeno
	exon 6		O
	exon 7		O
	exon 8		O
	exon 9		O
	exon 10		O
	exon 11		O
BRAF	exon 15	kodon 600	nevyšetřeno
PIK3CA	exon 9		O

¹ Akreditované vyšetření dle SOP 01

Zdravotnická laboratoř akreditovaná ČIA pod číslem 8279 Podle ČSN EN ISO 15189:2013

Jméno pacienta: Novák Jan (PC29T1)

číslo pojišťovny: 555

Datum odběru vzorku: 30.1.2025

Datum vydání výsledkové zprávy: 5.3.2025

Komentář k výsledkům:

Ve vzorku tkáně PC29T1 nebyla nalezena mutace v žádném z vyšetřovaných genů.

Interpretace výsledků:

Negativní výsledek neodhalil žádnou patogenní variantu, avšak nelze zcela vyloučit reziduální (zbytkové) riziko, vyplývající z možného výskytu vzácných nebo doposud neznámých mutací mimo testovaný rozsah.

Vypracoval: Mgr. Barbora Mináriková

Uvolnil/Schválil: RNDr. Martina Putzová, PhD.

-----konec výsledkové zprávy-----